



Ensemblの織りなす ゲノムリソースの見事な調和

坊農 秀雅（ぼうのうひでまさ）

ディー・エヌ・エー マイクロアレイドットオルグ

bono@DNAmicroarray.org

おことわり

- ★ 断じて「研修」ではありません
 - 格安セミナーでもない！
- ★ では何か？
 - 皆さんよりホンの少し、Ensemblを使い始めるのが早かった坊農が使っていて気付いたことなどを徒然なるままに話す45分間です
 - いつでも中断して突っ込みを入れてください

上記の事項に同意できる人のみご参加ください。

今日の話

時間の許す限り、可能なところまで…

★ Ensembl

- とはなにか? ★
- ウェブインターフェースから使いこなす★
- コマンドラインから使いこなす ★★★
- ミラーサーバを立てる ★★★
- 新たな生物種を追加して利用する★★★★

Ensemblとは何か？

- ★ 染色体ごとに1本につながったゲノム配列を中心(genome-central)としたゲノムブラウザ
 - cf. 転写産物を中心(cDNA-central)としたブラウザがFANTOM (<http://fantom.gsc.riken.go.jp/db/>)
- ★ Ens-EMBL
 - アンサンブル(ensemble)から？
 - Motif, keynoteに続く、音楽用語
 - EMBL
 - EBIで維持されている核酸配列データベース
- ★ More information available from
 - <http://www.ensembl.org/Docs/>

Ensemblの良い点

- ✦ 秀逸なウェブインターフェース
- ✦ UNIXのコマンドラインからも使える
- ✦ 「フリー」である
 - ✦ バックエンドに使われているソフトウェア群もすべてフリーウェア
 - Apache (mod_perl)
 - Mysql
 - Bioperl

ウェブインターフェースから 使いこなす

- ★ ある染色体領域から...
- ★ 知っている遺伝子を探して...
 - 名前、キーワードから
 - 遺伝子配列から
- ★ martviewを使ってデータマイニング
- ★ DASサーバを追加して...
 - 二階堂先生の御講演参照

コマンドラインから使いこなす

Ensembl_tutorial参照

http://www.ensembl.org/Docs/ensembl_tutorial.pdf

- ★ (My)SQLを使いこなす
 - 簡単なUNIXコマンドの知識も
- ★ Ensemblのスキーマ(schema)を知る
 - 必要なデータがどのtableに入っているか

Help!

- ★ 付属の文書を読む
- ★ Web で検索する
 - FAQなどの文書
 - メーリングリストの過去ログ
- ★ Ensembl-devに質問する

ミラーサーバを立てる

- ★ EnsemblInstallの文書の最新版を入手してそれに従う

新たな生物種を追加する

- ✦ 必要なテーブルを自ら作成
- ✦ それらをmysqlに格納
- ✦ 設定ファイルを書き足す

CM

ピペットマンとキーボードを
使いこなす研究をしませんか？
両方を使いこなすやる気のある人
（とくに大学院生）募集中。
詳細は坊農までemailを。

bono@DNAmicroarray.org