

メタボローム受託解析 選択フローチャート

GC-MS受託サービス

9試料 ¥483,000~

*未知ピーク情報も含む

興味ある化合物は？

既知

化合物の極性は？

高(中)極性

GC-MS
代謝物リストA

低極性

GC-MS
代謝物リストB

未知

LC-MS受託サービス

*閲覧機能ソフトも含む

化合物の極性は？

中(高)極性

求めるデータは？

シンプルなデータで
試料間比較がしたい

LC-MS差分解析
1試料 ¥161,000~

低極性

LC-MS脂質解析
1試料 ¥311,000~

詳細(MS/MS)なデータで
解析を行いたい

LC-MS基本解析
1試料 ¥230,000~

メタボローム受託解析 メニュースペック表

	メニュー名	データ解析に使用する 主なソフトウェア	特徴	考慮すべき点	分析対象		化合物極性			定性	定量	
					既知 化合物	未知 化合物	高極性	中極性	低極性	DB検索	相対	絶対 (半定量)
GC-MS	GC-MS 代謝物リストA	島津GC/MS代謝物成分 データベース(Polar)、 ANALYZER Pro +Fragment Align	高極性成分(糖、アミノ酸、有機酸など)を対象に、428種の代謝成分データベースとの照合による同定および全検出ピークを用いた多変量解析を行います。	代謝成分データベースにヒットしない化合物ピークについては情報が少ない	◎	×	○	×*	×	○	○	△**
	GC-MS 代謝物リストB	島津GC/MS代謝物成分 データベース(Lipid)、 ANALYZER Pro +Fragment Align	低極性成分(脂肪酸)を対象に、50種の代謝成分データベースとの照合による同定および全検出ピークを用いた多変量解析を行います。	代謝成分データベースにヒットしない化合物ピークについては情報が少ない	◎	×	×	×*	○	○	○	△**
LC-MS	LC-MS 基本解析	PowerGet	中極性化合物(芳香族配糖体、テルペノイド誘導体、アミノ酸誘導体など)を対象に、化合物推定の為の豊富な精密質量分析情報(MSMS情報を含む)の付与および多変量解析を行います。未知化合物であっても組成式予測が可能。	複数データベース検索結果、MSMS情報、標品実測データとの照合結果を含む	○	◎	△	○	×	○	○	△**
	LC-MS 差分解析	SIEVE	中極性化合物(芳香族配糖体、テルペノイド誘導体、アミノ酸誘導体など)を対象に、化合物推定の為の精密質量分析情報の付与および試料間の差分検出、多変量解析を行います。未知化合物であっても組成式予測が可能。	MSMS情報は考慮されない	△	○	△	○	×	○	○	△**
	LC-MS 脂質解析	LipidSearch+SIEVE	低極性化合物(脂質)を対象に、化合物推定の為の精密質量分析情報の付与および脂質候補のスコア付けを行います。未知化合物であっても予測可能。	ソフトウェア閲覧操作の為の詳細は開発企業である三井情報株式会社がサポート	○	○	×	×	◎	○	○	△**

* 化合物の種類により検出される可能性あり

** 標品測定を別途行う必要あり